

WOJEWÓDZKA STACJA SANITARNO – EPIDEMIOLOGICZNA w Gorzowie Wlkp. DZIAŁ LABORATORYJNY	IR-OMiP-16/Z1
	Data wydania: 31.10.2023
	Nr wydania: 1

Informacje dla zlecającego badanie w kierunku wykrywania materiału genetycznego wirusów oddechowych metodą Real Time PCR.

Warunki ogólne

- Pobrany materiał należy dostarczyć do laboratorium w ciągu **24 godzin**.
- Próbkki muszą być szczelnie zamknięte, nieuszkodzone.
- Probówki z materiałem biologicznym do badań należy opisać nazwiskiem, imieniem, numerem PESEL oraz rodzajem zleconego badania.
- Do próbki materiału należy dołączyć zlecenie, czytelnie wypełnione. Na zleceniu powinien znaleźć się czytelny podpis/pieczętka osoby pobierającej materiał, godzina i data pobrania oraz rodzaj materiału.
- Zlecenie na badania należy skutecznie zabezpieczyć przed skażeniem materiałem zakaźnym, nie należy transportować w opakowaniu wraz z materiałem.
- Materiał należy przechowywać i transportować w pozycji pionowej w temp. **+2°C do +8°C**

Pobranie wymazu z gardła i nosa

Od chorego badanego w kierunku wykrywania wirusa grypy typu A, B, A/H1N1 metodą Real Time PCR za pomocą trzech wymazówek **należy pobrać 3 wymazy:**

- z gardła
 - z lewego nozdrza
 - z prawego nozdrza
- Po pobraniu z gardła pierwszą wymazówkę należy włożyć do próbki z podłożem transportowym wirusologicznym (ewentualnie PBS lub roztwór soli fizjologicznej) i odłamać wystającą z próbki końcówkę. Następnie należy pobrać materiał drugą i trzecią wymazówką osobno wymazując z prawego i lewego nozdrza umieścić je w próbce, w której znajduje się już wymaz z gardła. **(w jednej próbce znajdują się trzy patyczki wymazowe)** Probówkę zamknąć szczelnie i podpisać (inicjały pacjenta i/lub kod próbki, data pobrania wymazu)

Od chorego badanego w kierunku wykrywania wirusa Sars- Cov-2 metodą Real Time PCR za pomocą jednej wymazówki **należy pobrać jeden wymaz:**

- z gardła i nosa
- Najpierw należy pobrać wymaz z gardła i następnie tą samą wymazówką po kolei z obu nozdrzy przednich. Po pobraniu wymazówkę należy włożyć do próbki z podłożem transportowym wirusologicznym i odłamać wystającą końcówkę, a następnie szczelnie zakręcić probówkę.
- z nosogardzieli
- Jałową, giętką wymazówką z tworzywa sztucznego należy pobrać wymaz z nosogardzieli i umieścić go w próbce z wirusologicznym podłożem transportowym. Probówkę należy szczelnie zamknąć (w razie potrzeby uciąć patyczek wymazówki)

Uwaga: należy zwrócić uwagę na bezpieczne ułamanie końcówki wymazówki.

Transport pobranych wymazów:

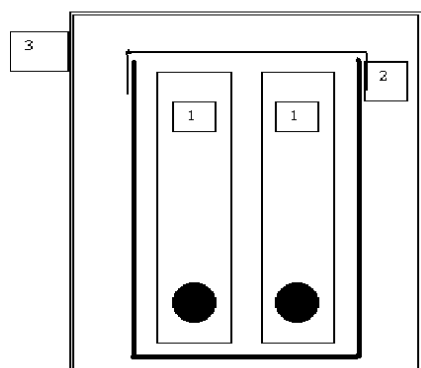
Wymazy po pobraniu należy jak najszybciej, tj. **najpóźniej w ciągu 24h od momentu pobrania**, przetransportować (w pozycji pionowej!) wraz z wypełnionym formularzem do laboratorium WSSE w Gorzowie Wlkp., traktując go jako materiał potencjalnie zakaźny i zapewniając podczas transportu temperaturę +2°C do +8°C (nie zamrażać).

Zlecenie na wykonanie badania powinno być dostarczane oddzielnie, tak by nie miało kontaktu z próbką przeznaczoną do badania.

W przypadku braku możliwości dostarczenia próbki w ciągu 24 godz. próbki dostarczyć do laboratorium w warunkach uniemożliwiających rozmrożenie (suchy lód).

Podczas transportu materiału do badań obowiązuje zasada potrójnego pakowania.

SCHEMAT PAKOWANIA PRÓBEK DO TRANSPORTU



- 1 – opakowanie pierwotne - próbka z materiałem do badania
- 2 – opakowanie pośrednie (wtórne)
- 3 – opakowanie zewnętrzne - transportowe/termoizolacyjne

Opakowanie pierwotne (zawierające materiał zakaźny), umieścić w opakowaniu wtórnym z odpornych na zgniecenie materiałów i szczelnie zamknąć. Następnie w opakowaniu zewnętrznym (transportowym) umieścić opakowanie wtórne oraz wkłady schłodzone do temp. -20 C°.

**Opracowano na podstawie wytycznych Narodowego Instytutu Zdrowia Publicznego PZH - PIB w Warszawie „Zalecenia dotyczące pobierania, przechowywania i transport materiałów klinicznych przeznaczonych do badań diagnostycznych” Pracowni Diagnostycznej Laboratorium Zakładu Badania Wirusów Grypy oraz krajowego oraz wojewódzkich konsultantów w dziedzinie mikrobiologii lekarskiej „Zasady pobierania i transportu materiału do badań metodami molekularnymi RT PCR w kierunku SARS-CoV-2.*