



Analiza mikrobiomu jelitowego jako czynnika diagnostycznego, rokowniczego oraz terapeutycznego u chorych z COVID-19

W przypadku wirusowych zakażeń układu oddechowego skład mikrobiomu jelitowego oraz charakterystyka patogenu wpływają na przebieg choroby oraz rokowanie u pacjentów. Z drugiej strony zakażenie wirusowe dróg oddechowych i/lub przewodu pokarmowego zaburza skład i funkcję mikrobioty oraz bariery jelitowej, co może mieć długotrwały wpływ na odporność organizmu, wykształcenie prawidłowej odporności oraz podatność na przyszłe zakażenia. Ten dwukierunkowy związek, określany jako oś jelitowo-płucna, może odgrywać kluczową rolę w patogenezie oraz terapii COVID-19. Celem projektu, jest analiza zmian składu i funkcji mikrobiomu jelitowego, oraz korelacja ilościowa zakażenia, genotypu i fenotypu wirusa SARS-CoV-2 u pacjentów hospitalizowanych w Centralnym Szpitalu Klinicznym MSWiA w Warszawie. Przy użyciu technik bioinformatycznych oraz uczenia maszynowego, określony zostanie związek między zmiennością mikrobiomu przewodu pokarmowego a rokowaniem i odpowiedzią na leczenie u tych chorych. Dzięki realizacji tego projektu chcemy określić biomarkery pozwalające na ocenę przebiegu choroby, rokowania oraz dobór optymalnej terapii dla pacjentów z COVID-19. Pozwoli to na przyspieszenie zdrowienia, zmniejszenie śmiertelności oraz redukcję obciążenia systemu opieki zdrowotnej.

Kwota dotacji

637 500,00 zł

Źródło Finansowania

NCBiR

Czas realizacji

16.10. 2020 - 15.10.2021